# 小胞体での N-グリカン生合成に働く ヒト糖転移酵素間の相互作用の解析 高橋 哲夫\*

# Analyses of Physical Interactions among Human Glycosyltransferases Involved in Biosynthesis of N-glycan in the Endoplasmic Reticulum

by

## Tetsuo TAKAHASHI\*

(Received on Sep. 30, 2009 and accepted on Nov. 24, 2009)

#### Abstract

Eukaryote-specific N-glycan is derived from lipid-linked oligosaccharide (LLO) which is biosynthesized by a series of glycosyltransferases localized on the rough endoplasmic reticulum (rER) membrane. In the early assembly of LLO, a total of five glycosyltransferases are involved. To analyze the physical interactions among them in human, the yeast split-ubiquitin system which can specifically detect physical interactions between two membrane-bound proteins was used. Two of the five human glycosyltransferases were coexpressed in the same yeast NMY51 cell (reporter strain), and the physical interactions between them were assayed for interaction-dependent viability on the selective media. In this assay, novel types of interaction were detected.

Keywords: Glycosyltransferase, Lipid-linked oligosaccharide, Split-ubiquitin system

# 1. 緒 言

真核細胞において多様な局面で機能する糖タンパ ク質中の N-グリカン(N-結合型糖鎖)は、粗面小胞体 (rough endoplasmic reticulum; rER)で生合成される リピド中間体(lipid-linked oligosaccharide; LLO) に由来する. LLO 生合成初期においては rER 膜に局在 する5種類の糖転移酵素が7段階で働くことにより7 糖(Man<sub>5</sub>GlcNAc<sub>2</sub>-)を有する LLO が細胞質側で集合す ることになる(Fig. 1). このうち、ER 膜に局在する 3種類のマンノース転移酵素(MT-I, MT-II/III 及び MT-IV/V)に関して、我々はこれまでに酵母分割ユビ キチンシステムを用いて膜結合酵素間の物理的相 互作用の有無を検証し、これらの酵素が rER 膜上で 複合体を形成していることを示す結果を報告した 1). 本研究では、解析対象となる糖転移酵素を LL0 生合成の第一段階に働く N-アセチルグルコサミン ーリン酸転移酵素(GPT)及び第二段階に働く N-ア セチルグルコサミン転移酵素(NAGT)を含めた 5 種 類に拡張し、分割ユビキチンシステムを用いて LLO 生合成の初期過程全体におけるヒト糖転移酵素間 の相互作用を解析することにした.

## 2. 材料及び方法

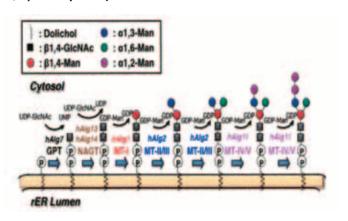


Fig. 1 Early assembly of LLO on the cytoplasmic side of the rER membrane.

3種類のマンノース転移酵素 (MT-I, MT-II/III 及び MT-IV/V) に関しては、分割ユビキチンシステム用ベクターへサブクローニングを行い、ベイトコンストラクト (hAlg1-CLV, hAlg2-CLV, hAlg11-CLV) 及びプレイコンストラクト (hAlg1-NubG, hAlg2-NubG, hAlg11-NubG)を既に作製している。そこでヒト GPT遺伝子 (hAlg7) 及び NAGT の二つのサブユニットの各遺伝子 (hAlg14 及び hAlg13)をヒト cDNA プールから PCR により増幅し、各ベクターにクローニングして、ベイトコンストラクト (CLV-hAlg7, hAlg7-CLV, CLV-hAlg14, hAlg14-CLV) とプレイコンストラクト (NubG-hAlg13, hAlg13-NubG)を新たに作製した。

<sup>\*</sup> 工学部生命化学科准教授

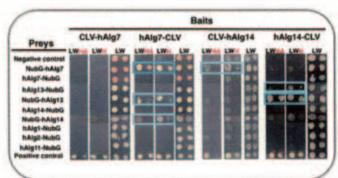


Fig. 2 Physical interactions of GPT & NAGT .

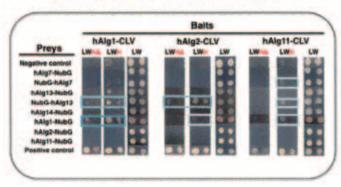


Fig.3 Physical interactions of mannosyltransferases.

次に、これらのベイトコンストラクト/プレイコンストラクトを任意に組み合わせて、酵母 NMY51 株を同時形質転換し、SD-LW 寒天選択培地上で各ベイト/プレイ共発現株を取得した.これらの共発現株をレポーターアッセイ用の SD-LWH 及び SD-LWHA 選択培地に 2 段階の希釈濃度で菌体をスポットして(0. D. 600=0.02, 0.002), 30℃で3日間培養した後、増殖性を観察した.

### 3. 結果及び考察

まず, N-グリカン生合成初期の第一段階に働く GPT と第二段階に働く NAGT をベイトとして相互作 用を解析した. その結果、1)小胞体膜上で GPT(hAlg7)同士が相互作用していること, 2)hAlg7 の C-末端に対して、NAGT の膜貫通サブユニット (hAlg14)の N-末端が弱く相互作用していることが 明らかになった(Fig. 2). また, hAlg14の C-末端は, 本来のパートナーである Alg13 の他に, hAlg7 の N-末端に対して弱い相互作用を示した(Fig. 2). 次に 3種の MT をベイトとして相互作用を解析したとこ ろ,3)hAlg11のC-末端に対してhAlg7のN-末端が 弱く相互作用することが見出された(Fig. 3). また, どちらの解析においても、4)NAGT の細胞質サブユ ニット(hAlg13)は、本来のパートナーである hAlg14 以外の 4 種の酵素に対して弱く相互作用し ていた(Fig. 2 及び Fig. 3), これら 1)~4)の成果に 基づいて, Fig. 4 に示すような 5 酵素による複合体 モデルを構築した. すなわち, N-グリカン生合成初 期に働く 5 種のヒト糖転移酵素のうち, 前半の 2

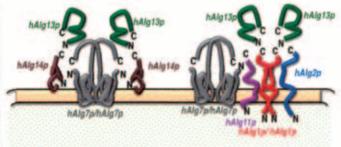


Fig. 4 Model of GPT/NAGT complex and GPT/MTs complex.

酵素である GPT と NAGT は強固な複合体を形成して いるが、GPT の方は3種マンノース転移酵素からな る MT 複合体との間でも、hAlg11を介して一過的に コンタクトをとっていることが想定されるのであ る. また、hAlg13(NAGT の細胞質サブユニット)の 方は、hAlg14以外に、4酵素に対して同様に弱い相 互作用を示したことから、一過的に GPT/NAGT/MT の 5 酵素複合体が形成されている可能性も考えら れる. そしてこれらの結果は、GPT/NAGT 複合体と GPT/MT 複合体の二つの形態が, LLO の生合成を量的 に調節する際に重要な役割を果たしていることを 示唆している.以上で述べた本研究の成果は既に公 表済である2~4). さらに、酵母において対象の5酵 素間の相互作用を調べた結果,ヒトの場合と若干違 う結果が現在得られている40.今後,これらの差異 に着目することにより,真菌の酵素間相互作用のみ を特異的に阻害する性質を有する抗真菌剤の開発 につながることを期待している.

#### 謝辞

本研究を遂行するにあたり,2007年度工学部研究教育補助金の助成をいただきましたことを,ここに深謝いたします.

#### 参考文献

- 1) 高橋哲夫:ヒト・マンノース転移酵素複合体の 全容解明,東海大学紀要工学 Vol. 46 (2006), No. 2, 151-152.
- 2) 石井博明,保知学,高橋哲夫:LL0生合成初期に働く3種のヒトマンノース転移酵素の分割ユビキチンシステムによる解析他3報,第80回日本生化学会大会講演要旨集(2007),725.
- 3) 黒土将徳,飯塚昌平,西村一寛,田中智恵美,高橋哲夫:リピド中間体生合成初期に働く糖転移酵素間における相互作用の解析,日本農芸化学会2008年度大会講演要旨集(2008),56.
- 4) 黒土将徳,飯塚昌平,西村一寛,前田直彦,高橋哲夫:LL0合成初期における酵母及びヒトの糖転移酵素間の相互作用の解析,第81回日本生化学会大会講演要旨集(2008),522.